



Seminar

Short term genome evolution of bacteria: Insights from *Legionella* outbreaks

Fernando González-Candelas

Grupo de Evolución y Salud

Las poblaciones de bacterias pueden evolucionar con rapidez. Sin embargo, las tasas de mutación estimadas para estos organismos no difieren sustancialmente de las obtenidas para eucariotas. El análisis de genomas completos de la bacteria *Legionella pneumophila* aislada a lo largo de 12 años en que una cepa concreta ha producido brotes de forma recurrente en la zona de Alcoy nos ha permitido caracterizar las contribuciones relativas de la mutación y la recombinación a la generación de variabilidad genética a corto plazo. Prácticamente el 98% de la variación detectada se debe a la recombinación, siendo proporcionalmente mínima la contribución de la mutación a la misma.

<i>Place</i>	Seminar Room, basement, redbrick building
<i>Day</i>	Thursday, January 15, 2015
<i>Time</i>	12:30