## Instrucciones sobre el uso de la web <u>www.uv.es/quimicajmol</u>

La página inicial de la web tiene siete apartados.



La mayoría son en castellano y algunos tienen además la versión en ingles. Los contenidos son diversos. <u>Química en 3D</u> aborda diferentes aspectos de la estructura de la materia, con un tratamiento de sólidos iónicos, covalentes y metálicos, compuestos orgánicos y grupos funcionales.

El apartado de *Estructuras de Lewis* ofrece una aplicación para trabajar con una colección de compuestos moleculares.

<u>Test conceptuales</u> incluye una colección de ejercicios sobre mas de diez temas diferentes, gases, elementos y compuestos, disoluciones, reacciones, cinética, equilibrio o cambios de fase.

El apartado <u>Simulaciones</u> contiene visualizaciones sobre una variedad de temas. <u>Nomenclatura</u> incorpora ejercicios para diferentes cursos de ESO y Bachiller, elaborados siguiendo las directrices mas recientes elaboradas por la RSEQ (Real Sociedad Española de Química).

El apartado <u>Nuevas animaciones</u> incorpora las novedades mas importantes realizadas en la página web.

Mecanismos tiene unos contenidos que están fuera de los cursos de Bachiller.

La navegación por la página web Químicajmol es similar a la de cualquier otra web. Sin embargo contiene herramientas específicas de Jmol que ayudan a obtener valiosa información contenida en la web. Digamos que la mayoría de las estructuras cristalinas que se muestran están realizadas tomando datos estructurales obtenidos de las bases de datos, especialmente ICSD (Inorganic Chemistry Structural Database). Por ello las imágenes resultantes contienen información muy válida que puede ser utilizada para el diseño de ejercicios. Vamos a ver como se puede acceder a esta información desde cualquier animación.

Para comenzar digamos que muchas de las páginas tienen un formato que incluye una ventana en la parte superior derecha. Mostramos un ejemplo que corresponde al apartado *Sólidos cristalinos y amorfos* dentro de *Química en 3D*.



El ejemplo utilizado es SiO<sub>2</sub> cristalino. La imagen que aparece en la ventana permite cambios importantes, poniendo el cursor sobre la ventana.

- 1. La rotación, sin mas que mover el cursor.
- 2. Zoom. Moviendo el cursor al mismo tiempo que se pulsa la tecla de mayúsculas.
- 3. Identificación de un átomo. Basta colocar el cursor sobre un átomo para conocer la identidad del mismo.



Cada átomo tiene un número de identificación. En la figura izquierda vemos que el átomo de Si, azul, #3. En la imagen derecha vemos que el átomo de oxígeno seleccionado es el #25.

Al tratarse de un sólidos cristalino todas las distancias de enlaces son similares (dentro de los límites de error experimental. Para distancias entre átomos/iones equivalentes

al menos las dos primeras cifras representativas deben ser iguales). Para obtener la distancia de enlace Si-O en esta estructura basta hacer doble click sobre un átomo de silicio y seguido de doble click sobre un átomo de oxígeno que se encuentre unido al átomo de silicio. Podremos confirmar que los cuatro enlaces S muestran la misma distancia de 0.161nm.



Se pueden hacer todas las medidas que se deseen sobre la misma figura. Se pueden eliminar todas las medidas realizadas siguiendo un procedimiento que veremos mas adelante.

Hay una gran cantidad de información que se puede obtener colocando el cursor sobre la ventana y haciendo click al mismo tiempo que pulsamos con el botón derecho del ratón. Aparece una ventana con múltiples opciones que a su vez abren ventanas secundarias. La imagen siguiente muestra como se despliegan dos ventanas partiendo de Mediciones. Se marca la opción de Borrar mediciones que hemos visto antes.



Los ángulos de enlace se miden haciendo la secuencia de doble click/click/doble click sobre los tres átomos que forman un ángulo. Se puede ver que los ángulos pueden tener

una mayor diversidad de valores que los enlaces.

La misma ventana permite modificar las unidades de medida de distancias (nanómetros/ángstroms/picómetros).

Al final de la ventana principal esta la opción de elegir un idioma para jmol.

El resto de los comandos son de una utilidad mas específica. Para familiarizarse con ello basta ir pulsándolos si bien no todos estarán activos.