



FICHA IDENTIFICATIVA

DATOS DE LA ASIGNATURA

Código: 44697

Nombre: Técnicas de análisis de imagen

Ciclo: Máster Universitario Oficial

Créditos ECTS: 2,5

Curso académico: 2026-27

TITULACIONES

Titulación	Centro	Curso	Periodo
2224 - M.U. en I+D en Biotecnología y Biomedicina	Facultat de Ciències Biològiques	1	Primer cuatrimestre

MATERIAS

Titulación	Materia	Carácter
2224 - M.U. en I+D en Biotecnología y Biomedicina	Nuevas tecnologías	OBLIGATORIA

COORDINACIÓN

MORANTE REDOLAT JOSE MANUEL

RESUMEN

La asignatura Técnicas de Análisis de Imagen (en adelante TAI) es un claro ejemplo de lo que ha supuesto el enorme avance de la microscopía y otras técnicas de adquisición de imágenes en la formación de los futuros profesionales de la Biología, la Biotecnología y la Biomedicina. Actualmente, existe una gran distribución de equipos de microscopía integrados con computadoras y una amplia variedad de paquetes de software y nuevos algoritmos para el análisis digital de la imagen disponibles. Este tipo de tecnologías, que ha avanzado rápidamente desde principios del siglo XXI, así como el constante incremento en la cantidad de imágenes a procesar, ha hecho necesaria la formación de investigadores especializados que deben combinar habilidades de análisis de imagen con conocimientos biológicos.

La asignatura TAI se plantea como un curso introductorio a las técnicas del tratamiento de imagen digital aplicadas fundamentalmente a imágenes biológicas, es decir al Análisis de Bioimagen (BIA, del inglés *Bioimage Analysis*). Este, consiste en la identificación de elementos biológicos de interés en imágenes y en la cuantificación de infinidad de características para abordar un problema biológico de manera no sesgada. Para ello se utilizan diferentes paquetes de software que consisten en "colecciones" de algoritmos de procesamiento y análisis de imagen (conocidos como componentes).

Sin embargo, el BIA no consiste únicamente en "aprender a manejar un determinado software" ya que, para



cada problema específico, es necesario ensamblar una serie de componentes en un orden específico ajustando sus parámetros funcionales al problema que se desea resolver, obteniendo de este modo un "flujo de trabajo". Este flujo de trabajo toma archivos de imagen como input y genera como resultado valores numéricos y/o imágenes procesadas. Además, el ensamblaje de componentes también puede hacerse en forma de script ejecutable. La conversión de flujos de trabajo en scripts tiene dos ventajas principales: 1) Permite la automatización de tareas repetitivas, pudiendo incluso desarrollar scripts para BIA de alto contenido. 2) Los scripts también destacan por su utilidad como documentación, es decir, sirven como registro de un flujo de trabajo, lo que asegura la reproducibilidad de un protocolo de BIA.

Por lo tanto, es cada vez más demandada la existencia de expertos en el ensamblaje óptimo de algoritmos de procesamiento de imagen para un desarrollo práctico del BIA: los analistas de bioimagen. Este grupo de profesionales se suman y complementan a las tres categorías clásicas de expertos implicados en el "BioImaging": científicos del campo de las biociencias (p.ej. biólogos), instrumentalistas (p.ej. microscopistas) y desarrolladores (p.ej. programadores).

En los 2'5 créditos de duración, hacemos un recorrido sobre los fundamentos del BIA que se inicia con las características y propiedades de las imágenes digitales y su problemática específica; se continúa con los distintos algoritmos y técnicas para la construcción de flujos de trabajo y la lógica de su uso para la obtención de flujos de trabajo capaces de obtener datos cuantitativos significativos a partir de imágenes y, finalmente, se dan unas nociones básicas para la automatización de dichos flujos de trabajo en scripts para el procesado automático de gran cantidad de imágenes.

La asignatura está concebida como un paquete fundamentalmente práctico, por lo que cada uno de los conceptos teóricos que se introducen durante el curso, tiene su inmediata aplicación práctica en las sesiones siguientes.

os teóricos que se introducen durante el curso, tiene su inmediata aplicación práctica en las sesiones siguientes.

CONOCIMIENTOS PREVIOS

RELACIÓN CON OTRAS ASIGNATURAS DE LA MISMA TITULACIÓN

No se han especificado restricciones de matrícula con otras asignaturas del plan de estudios.

OTROS TIPOS DE REQUISITOS

No hay

COMPETENCIAS / RESULTADOS DE APRENDIZAJE

2224 - M.U. en I+D en Biotecnología y Biomedicina

Adquirir destrezas en el manejo de las metodologías avanzadas empleadas en las biociencias moleculares y en el registro anotado de actividades.

Aprendizaje del uso de la instrumentación y equipamientos empleados en los laboratorios de biotecnología y biomedicina.



Poseer y comprender conocimientos que aporten una base u oportunidad de ser originales en el desarrollo y/o aplicación de ideas, a menudo en un contexto de investigación.

Que los/las estudiantes sean capaces de integrar conocimientos y enfrentarse a la complejidad de formular juicios a partir de una información que, siendo incompleta o limitada, incluya reflexiones sobre las responsabilidades sociales y éticas vinculadas a la aplicación de sus conocimientos y juicios.

Que los/las estudiantes sepan aplicar los conocimientos adquiridos y su capacidad de resolución de problemas en entornos nuevos o poco conocidos dentro de contextos más amplios (o multidisciplinares) relacionados con su área de estudio.

Ser capaces de integrar las nuevas tecnologías en su labor profesional y/o investigadora.

Utilizar adecuadamente las herramientas informáticas, métodos estadísticos y de simulación de datos, aplicando los programas informáticos y la estadística a los problemas biomédicos y biotecnológicos.

DESCRIPCIÓN DE CONTENIDOS

0. Sesión 1: Presentación del curso: Diagrama completo del flujo de trabajo en análisis de imagen

Concepto y finalidad del Análisis de Bioimagen. Aspectos a tener en cuenta a la hora de medir. Percepción humana vs análisis computacional. Microscopía actual: volumen de imágenes generadas. Ejemplos cotidianos de análisis de imagen. La profesión de Analista de Bioimagen. Esquema básico de trabajo en Análisis de Bioimagen. Los flujos de trabajo. Ejemplos concretos. Software de análisis de imagen: ImageJ/Fiji y la importancia del Open Source. Fiji: comandos simples, comandos integrados, Plugins y Macros. Fiji Updater.

1. Sesión 2: Propiedades de la imagen digital

El proceso de digitalización. Tipos de sensores. La naturaleza numérica de la imagen digital. Digitalización del color. Luz y sistemas ópticos. Propiedades de la imagen digital: tamaño y resolución, calibrado, profundidad de bits. Espacios de color. Tipos de archivos de imagen. Paletas de falso color. Dimensiones de las imágenes biológicas.

2. Sesión 3: Realce y restauración de la imagen digital

Imagen real vs imagen digitalizada vs imagen corregida. Histograma de una imagen digital. Operaciones de realce y restauración: operaciones que cambian el número de píxeles, descomposición del color, operaciones punto a punto, operaciones entre píxeles vecinos (en el dominio espacial), operaciones en el dominio de la frecuencia. Ejemplos.



3. Sesión 4: Segmentación

Concepto de segmentación. Cerebro humano vs software de análisis. Criterios de vecindad. Técnicas de segmentación: segmentación manual, segmentación por umbrales, segmentación basada en la detección de bordes, segmentación basada en regiones, segmentación por clustering, segmentación por clasificación de píxeles (machine learning).

4. Sesión 5: Ejercicios de segmentación

5. Sesión 6: Imagen Binaria

Concepto y propiedades de la imagen binaria. Operaciones con la imagen binaria: operaciones Booleanas (AND, OR, XOR) concepto y aplicaciones. Operaciones con la imagen binaria: Morfología matemática (Erosión, Dilatación, Apertura, Cierre, Outline, Fill Holes, Skeletonize, Analyze skeleton, Mapa de distancias euclídeas, Ultimate Erode Points, Watershed, Voronoi, Reconstrucción binaria).

6. Sesión 7: Ejercicios de Integración

Ejercicios para combinar los contenidos de las sesiones 1 a 6

7. Sesión 8: Morfometría

¿Qué medir?: Información espacial y espectral. Medida vs resultado. Exactitud vs precisión. Descriptores de forma primarios y derivados: Perímetro, Área, Diámetros Feret, Rectángulo circundante, Centroide, Fracción de área, Ajuste a una elipse, Aspect ratio, Solidez, Redondez, Factor de forma. Medidas densitométricas. Ejemplos.

8. Sesión 9: Ejercicios de integración

Ejercicios para combinar los contenidos de las sesiones 1 a 8

9. Sesión 10: Automatización. Macroinstrucciones (I)

Macroinstrucciones: concepto y uso. El lenguaje macro en ImageJ. Funciones incorporadas (Built-in Macro Functions). Anotaciones. Variables: definición y uso. Operadores. Concatenación. Vectores: definición y uso. Estructuras de control (condicionales y bucles). Creación y uso de cuadros de dialogo.



10. Sesión 11: Automatización. Macroinstrucciones (II)

Ejercicios guiados de automatización de flujos de trabajo mediante macroinstrucciones.

11. Sesión 12: Ejercicios finales. Planteamiento del examen

Ejercicios finales de integración de toda la asignatura.
Planteamiento de los ejercicios para la evaluación final.

12. Sesión 13: Visita ponente externo

Presentación de casos prácticos reales por parte de ponente externo/a.

VOLUMEN DE TRABAJO (HORAS)

ACTIVIDADES PRESENCIALES

Actividad	Horas
Tutorías	10,00
Teoría	15,00
Total horas	25,00

ACTIVIDADES NO PRESENCIALES

Actividad	Horas
Asistencia a otras actividades	0,00
Elaboración de trabajos individuales o en grupo	0,00
Estudio y trabajo autónomo	17,50
Preparación de clases	0,00
Preparación de actividades de evaluación	20,00
Resolución de casos prácticos	0,00
Total horas	37,50

METODOLOGÍA DOCENTE

El desarrollo de la asignatura se estructura en torno a tres ejes: las sesiones de teoría, las de prácticas y la presentación de modelos de trabajo por profesionales con experiencia en la aplicación de las técnicas de tratamiento digital.

Las clases teóricas alternarán con las prácticas de manera que en unas sesiones se introducirán los conceptos relativos a la técnica de análisis de imagen, que se aplicarán posteriormente.



Las clases de prácticas, que se realizarán en las sesiones de tutoría en grupo reducido de alumnos, se desarrollarán siguiendo dos estrategias complementarias: en unas sesiones se le aplicarán los conocimientos adquiridos en las sesiones de teoría anteriores, mediante una serie de problemas-tipo. En otras sesiones se realizarán ejercicios de carácter recopilatorio, que servirán para relacionar los conocimientos adquiridos hasta ese momento. El protagonismo de las sesiones prácticas recaerá básicamente en el estudiante, ya que será él mismo quien se tendrá que enfrentar con problemas análogos y de mayor complejidad. Una vez concluido el trabajo, los problemas serán corregidos y analizados por los mismos alumnos en el aula.

Cada estudiante dispondrá de una copia de los programas de trabajo que se utilizarán en clase, con el fin de que puedan realizar los trabajos que se programen o para que puedan trabajar la materia fuera del ámbito del aula informática de la Facultad. Durante las primeras sesiones se tendrá especial cuidado en entrenar a los estudiantes en el uso e instalación de los programas informáticos, para evitar que el manejo de ese material sea un coste añadido.

EVALUACIÓN

La evaluación del aprendizaje de los alumnos se llevará a cabo mediante dos tipos de evidencias:

1. Se llevará a cabo una evaluación continua de los progresos y del trabajo desarrollado a lo largo del curso, la cual se basará, en gran medida, en los ejercicios realizados a través de aula virtual y en las sesiones de tutoría. En esta nota se tendrá en cuenta la asistencia, participación y la ejecución de los ejercicios. La nota obtenida en este apartado constituirá un 20% de la nota final.
2. Los conocimientos adquiridos se evaluarán también mediante un examen al finalizar el curso, que contribuirán en un 80% a la nota definitiva. El examen se compondrá de un conjunto de problemas basados en imágenes para los que el alumnado tendrá que proponer una estrategia de resolución y una macroinstrucción que automatice el análisis. Los ejercicios se publicarán en aula virtual al finalizar las clases y el alumnado los realizará en casa de manera individual durante el tiempo estipulado para su entrega a través de aula virtual. La entrega de un ejercicio supondrá la nota mínima para superar este bloque. La nota irá incrementándose progresivamente con la entrega de más ejercicios hasta poder alcanzar la calificación máxima. Se valorarán las aportaciones técnicas que el alumno haga a la resolución del problema relacionadas con las técnicas de Análisis de Imagen, así como la originalidad y la sencillez del protocolo propuesto.

BIBLIOGRAFÍA

- Bankhead, P. (2016). Analyzing fluorescence microscopy images with ImageJ. <https://petebankhead.gitbooks.io/imagej-intro/content/>
- Bray M.A. et al (2012). Workflow and Metrics for Image Quality Control in Large-Scale High-Content Screens. *J Biomol Screen.* 17(2):266-274.
- Chaki J. & Dey N. (2020). *A Beginner's Guide to Image Shape Feature Extraction Techniques.* Boca Raton: CRC Press.
- Chambers K.M., Mandavilli B.S., Dolman N.J. & Janes M.S. (2018). *General Staining and*



- Segmentation Procedures for High Content Imaging and Analysis. In: Johnston P., Trask O. (eds) High Content Screening. Methods in Molecular Biology, vol 1683. Humana Press, New York, NY.
- Dima A.A., Elliott J.T., Filliben J.J., Halter M., Peskin A., Bernal J., Kociolek M., Brady M.C., Tang H.C. & Plant A.L. (2011). Comparison of segmentation algorithms for fluorescence microscopy images of cells. *Cytometry A*. 79:545-559.
 - Eliceiri K.W. (2012). Biological Imaging Software Tools. *Nat Methods*. 9(7):697-710.
 - Ferreira T.A. & Rasband W. (2012). The ImageJ User Guide ¿ Version 1.46r. <http://imagej.net/docs/guide/user-guide.pdf>
 - Guet R., Burri O. & Seitz A. (2019). Open Source Tools for Biological Image Analysis. In: Rebollo E., Bosch M. (eds) Computer Optimized Microscopy. Methods in Molecular Biology, vol 2040. Humana, New York, NY.
 - Jost A.P.T & Waters J.C. (2019). Designing a Rigorous Microscopy Experiment: Validating Methods and Avoiding Bias. *J Cell Biol*. 218(5):1452-1466.
 - Meijering E., Carpenter A.E., Peng H., Hamprecht F.A. & Olivo-Marin J.C. (2016). Imagining the Future of Bioimage Analysis. *Nat Biotechnol*. 34(12):1250-1255.
 - Miura K., Tosi S., Möhl C., Zhang C., Paul-Gilloteaux P., Schulze U., Nørrelykke S.F., Tischer C. & Pengo C. (2016). Bioimage Analysis Tools. In: Miura K. (ed) Bioimage Data Analysis. Wiley-VCH, Heidelberg.
 - Miura K. et al (2017). Workflows and Components of Bioimage Analysis: The NEUBIAS Concept. Zenodo. doi: 10.5281/zenodo.1042570. Myers G. (2012). Why Bioimage Informatics Matters. 9 (7):659-660.
 - Myers G. (2012). Why Bioimage Informatics Matters. 9(7):659-660.
 - Pertusa J.F. & Morante-Redolat J.M. (2019). Main Steps in Image Processing and Quantification: The Analysis Workflow. In: Rebollo E., Bosch M. (eds) Computer Optimized Microscopy. Methods in Molecular Biology, vol 2040. Humana, New York, NY.
 - Rueden C.T., Schindelin J., Hiner M.C., DeZonia B.E., Walter A.E., Arena E.T. & Eliceiri K.W. (2017). ImageJ2: ImageJ for the next generation of scientific image data. *BMC Bioinformatics*. 18(1): 529.
 - Russ J.C (2015) The Image Processing Handbook, Seventh Edition 6th Edition CRC Press. London.
 - Sbalzarini I.F. (2016). Seeing Is Believing: Quantifying Is Convincing: Computational Image Analysis in Biology. In: De Vos W., Munck S., Timmermans JP. (eds) Focus on Bio-Image Informatics. Advances in Anatomy, Embryology and Cell Biology, vol 219. Springer, Cham.
 - Schindelin J., Arganda-Carreras I., Frise E., Kaynig V., Longair M., Pietzsch T., Preibisch S., Rueden C., Saalfeld S. & Schmid S. (2012). Fiji: an open-source platform for biological-image analysis. *Nat Methods*. 9(7):676-682.
 - Schneider C.A., Rasband W.S., Eliceiri K.W. (2012). NIH Image to ImageJ: 25 years of image analysis. *Nat Methods*. 9(7):671-675.
 - Waters J.C. (2009). Accuracy and Precision in Quantitative Fluorescence Microscopy. *J Cell Biol*. 185(7):1135-1148.
 - Weigert M., Schmidt U., Boothe T., Müller A., Dibrov A., Jain A., Wilhelm B., Schmidt D., Broaddus C., Culley S. et al. (2018). Content-aware image restoration: pushing the limits of fluorescence microscopy. *Nat Methods*. 15(12):1090-1097.